

Resistência antimicrobiana da *Salmonella* spp. em suínos: Revisão

Antimicrobial resistance of *Salmonella* spp. in swine: Review

Resistencia antimicrobiana de la *Salmonella* spp. en cerdos: Revisión

Recebido: 14/01/2022 | Revisado: 19/01/2022 | Aceito: 24/01/2022 | Publicado: 25/01/2022

Thiago Langer Lantmann

ORCID: <https://orcid.org/0000-0001-8762-2539>

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Brasil

E-mail: thiagolantmann@hotmail.com.br

Tainá Simonetti

ORCID: <https://orcid.org/0000-0003-1175-9998>

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Brasil

E-mail: taina_simonetti@hotmail.com

Liris Kindlein

ORCID: <https://orcid.org/0000-0002-3925-1128>

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Brasil

E-mail: liris.kindlein.ufrgs@gmail.com

João Roberto Braga de Mello

ORCID: <https://orcid.org/0000-0002-7120-7709>

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Brasil

E-mail: jmello@gabinete.ufrgs.br

Resumo

A suinocultura representa uma atividade muito relevante para o Brasil, gerando empregos, renda e desenvolvimento. Atualmente, o mercado nacional e internacional vem exigindo um status sanitário de rebanho cada vez mais qualificado. Dentro disso, a salmonelose é uma enfermidade que merece destaque. A *Salmonella* é um agente etiológico de grande envolvimento em surtos alimentares em seres humanos, e vem apresentando um forte aumento no condizente à resistência antimicrobiana devido ao uso indiscriminado de antibióticos em animais de produção e pacientes, tornando-se uma ameaça à saúde pública por todo o globo. O surgimento de isolados de *Salmonella* com tal resistência foi descrito em humanos, alimentos e animais para consumo. Por esse motivo, foi realizada uma revisão de literatura no condizente à *Salmonella* spp. e sua resistência frente à utilização de antibioticoterapia na suinocultura, com consulta de instruções normativas, teses e artigos científicos de diversas bases de dados, tais como Scielo, ScienceDirect e PubMed. Pôde-se constatar a grande resistência antimicrobiana de *Salmonella* frente aos inúmeros princípios ativos utilizados na antibioticoterapia na suinocultura ao longo dos anos. Foi constatado também, que para os próximos anos a tendência é da utilização de alternativas à antibióticos, como óleos essenciais, ácidos orgânicos e inorgânicos, entre outros.

Palavras-chave: Resistência antimicrobiana; *Salmonella* spp.; Saúde pública; Suinocultura; Zoonose.

Abstract

Swine farming represents a very relevant activity for Brazil, generating jobs, income and development. Currently, the national and international market has been demanding an increasingly qualified herd health status. Within this, salmonellosis is a disease that deserves to be highlighted. *Salmonella* is an etiological agent of great involvement in food outbreaks in humans, and has shown an elevated increase in antimicrobial resistance due to the indiscriminate use of antibiotics in treating livestock and humans, becoming a global threat to public health. The emergence of isolation of *Salmonella* with such resistance has been described in humans, food and animals for consumption. For this reason, this paper conducted a literature review on *Salmonella* spp. and its resistance to the use of antibiotic therapy in swine farming, with consultation of normative instructions, dissertations, and scientific articles from several databases such as Scielo, ScienceDirect, and PubMed. It was possible to verify the great antimicrobial resistance of *Salmonella* against the countless active principles used in antibiotic therapy in swine farming over the years. It was also found that for the upcoming years there is a trend in using alternatives to antibiotics, such as essential oils, organic and inorganic acids, among others.

Keywords: Antimicrobial resistance; Public health; *Salmonella* spp.; Swine farming; Zoonosis.

Resumen

La porcicultura representa una actividad muy relevante para Brasil, generadora de empleo, renta y desarrollo. En la actualidad, los mercados internacionales y el nacional pasaron a exigir un rebaño cada vez más calificado en estado sanitario. Sobre este tema, la salmonelosis es una enfermedad que merece ser destacada. *Salmonella* es un agente etiológico de gran implicación en brotes alimentarios en humanos, y ha mostrado un fuerte aumento de la resistencia antimicrobiana debido al uso indiscriminado de antibióticos en animales de producción y en pacientes, convirtiéndose

en una amenaza para la salud pública en todo el globo. Se ha percibido la aparición de aislamientos de *Salmonella* con tal resistencia en humanos, alimentos y animales para consumo. Por tal motivo, se realizó una revisión bibliográfica sobre *Salmonella* spp. y su resistencia al uso de la antibioticoterapia en porcicultura, con consulta de instructivos normativos, tesis y artículos científicos de múltiples bases de datos, como Scielo, ScienceDirect y PubMed. Se pudo comprobar la gran resistencia antimicrobiana de la *Salmonella* frente a los numerosos principios activos utilizados en la antibioticoterapia en porcinos a lo largo de los años. También se encontró que para los próximos años la tendencia es utilizar alternativas a los antibióticos, como aceites esenciales, ácidos orgánicos e inorgánicos, entre otros.

Palavras clave: Porcicultura; Resistencia antimicrobiana; *Salmonella* spp.; Salud pública; Zoonosis.

1. Introdução

A *Salmonella* spp. é um importante patógeno zoonótico, além de relacionar-se a uma das principais causas de doenças transmissíveis por alimentos (DTAs) em humanos, tendo diversas fontes de contaminação responsáveis pela ocorrência desta enfermidade. Deste modo, um destaque vem sendo atribuído à espécie suína como um reservatório importante para diversos sorovares de *Salmonella* e, assim, realçando a veiculação deste microrganismo para o homem através do consumo de seus produtos ou mediante contaminação cruzada para outros alimentos (Brasil, 2021).

Além disso, com o passar dos anos, vêm relatando-se o isolamento de sorovores de *Salmonella* spp. resistentes a antimicrobianos, sendo este fato relacionado a inúmeros fatores. De acordo com a *World Health Organization* (2016), a resistência antimicrobiana (RAM) ocorre quando microrganismos sofrem alterações no momento de exposição aos antimicrobianos, tornando medicamentos ineficazes e aumentando o risco de propagação da doença. A utilização exacerbada de antimicrobianos, tanto na área humana quanto na área da medicina veterinária, para fins terapêuticos, profiláticos e promotores de crescimento, vem gerando preocupações e impactando no desenvolvimento de RAM, de maneira a contribuir significativamente para este problema de saúde pública a nível global (Tang, et al., 2017).

Devido a sua relevância como patógeno no âmbito da saúde pública, este microrganismo requer atenção para utilização de medidas específicas, de legislações e de programas de controle que garantam a não comercialização de alimentos que possam vir a apresentar isolamento de *Salmonella* spp.

2. Metodologia

Neste estudo foi realizada uma revisão de literatura (ou revisão narrativa), uma metodologia na qual consiste em realizar uma discussão sobre o material abordado em forma de ensaio teórico, com aprofundamento de sua análise através de relações com produções anteriores, identificando temáticas recorrentes e apontando novas perspectivas.

Utilizou-se como base uma extensa pesquisa bibliográfica em bases de dados científicos confiáveis como: Science Direct, Scientific Electronic Library Online (Scielo), PubMed, bem como Embrapa, NCBI, NTU Scholars, Pubvet, ResearchGate, repositórios de universidades (dissertações e teses) e Google. Foram selecionadas publicações datadas entre os anos de 2010 a 2021 para elaboração de uma revisão visando a resistência antimicrobiana à *Salmonella* spp. frente à utilização de antibioticoterapia na suinocultura. O estudo foi realizado nos meses de janeiro de 2022 por meio de pesquisa básica.

A estratégia utilizada nas bases de dados foi o uso dos termos: “*antimicrobial resistance*”, “*Salmonella*”, “*swine*” no campo correspondente a título, resumo, palavras-chave e somente artigos, abrangendo as publicações abertas no período supracitado. Verificou-se, inicialmente os trabalhos em duplicidade devido a utilização de três bases de dados. Os operadores booleanos “OR” e “AND” foram utilizados a fim de conectar os termos da pesquisa entre si, facilitando a visualização da busca. Após a verificação de compatibilidade das publicações encontradas nas pesquisas, em relação ao assunto abordado, selecionou-se 33 publicações para a elaboração do trabalho (Quadro 1).

Quadro 1. Principais publicações selecionadas e utilizadas para a elaboração da revisão.

Autor(es)	Ano	Título	Indexador
Centers for Disease Control and Prevention	2019	Antibiotic Resistance Threats in the United States.	Google
Cheng et al.	2019	A critical review on antibiotics and hormones in swine wastewater: Water pollution problems and control approaches.	ScienceDirect
De Lange et al.	2010	Strategic use of feed ingredients and feed additives to stimulate gut health and development in young pigs.	ScienceDirect
Dowarah et al.	2017	The use of Lactobacillus as an alternative of antibiotic growth promoters in pigs: A review.	ScienceDirect
EFSA Journal	2012	Union summary report on antimicrobial resistance in zoonotic and indicator bacteria from humans, animals and food in 2010.	Google
Faria	2013	Principais sorotipos de <i>Salmonella enterica</i> isolados em suínos.	Google
Faria	2016	<i>Escherichia coli</i> e <i>Salmonella</i> sp. em suiformes nativos exóticos assintomáticos em criações comerciais do estado de goiás.	Repositório UFG
Filho et al.	2014	Investigation of <i>Salmonella</i> spp. in backyard chickens (<i>Gallus gallus domesticus</i>) and eggs sold in free markets in the city of Fortaleza.	ResearchGate
Forstinus et al.	2015	Epidemiology of <i>Salmonella</i> and Salmonellosis.	ResearchGate
Gozi	2016	Perfil de resistência à antimicrobianos de <i>Aeromonas</i> sp. e <i>Streptococcus</i> sp. isolados de tilápia-do-Nilo e detecção dos genes envolvidos na resistência à tetraciclina.	Repositório UNES
Kich et al.	2017	Salmonelose clínica em suínos no Brasil: diagnóstico e controle.	Embrapa
Kim & Isaacson.	2017	<i>Salmonella</i> in Swine: Microbiota Interactions.	PubMed
Liao & Nyachoti.	2017	Using probiotics to improve swine gut health and nutrient utilization.	ScienceDirect
Lima et al.	2016	Sorovares e perfil de suscetibilidade a antimicrobianos em <i>Salmonella</i> spp. isoladas de produtos de origem suína.	Scielo
Lopes	2019	Efeito osteogênico do compósito produzido com cerâmica de beta tricálcio fosfato, polímeros [pcl e plga] e β-cyclodextrina, associado à doxiciclina, no modelo de reparo ósseo alveolar em ratos.	Repositório UFMG
Lysnyansky & Aylng.	2016	<i>Mycoplasma bovis</i> : Mechanisms of Resistance and Trends in Antimicrobial Susceptibility.	PubMed
Mendonça	2016	Características de virulência, resistência e diversidade genética de sorovares de <i>Salmonella</i> com impacto na saúde pública, isolados de frangos de corte no Brasil.	Repositório UFU
Moreira	2012	Estudo sobre <i>Salmonella</i> sp. e seus mecanismos de resistência a antibióticos.	Repositório UFG
Oliveira, et al.	2020	Sobrevida e perfil de resistência a antimicrobianos de isolados de <i>Salmonella</i> sp. em dejetos suíno armazenado.	Pubvet
Oliver & Wells.	2015	Lysozyme as an alternative to growth promoting antibiotics in swine production.	PubMed
Omonijo, et al.	2018	Essential oils as alternatives to antibiotics in swine production.	PubMed
Quadros	2018	<i>Salmonella</i> spp. isoladas em abatedouro frigorífico de suínos: resistência a sanitizantes e antimicrobianos.	Repositório UPF
Rodrigues, et al.	2014	Relatório anual de atividades do Laboratório de Referência Nacional de Enteroinfecções Bacterianas.	ResearchGate
Ryan, et al.	2017	Evaluation of the Complex Nomenclature of the Clinically and Veterinary Significant Pathogen <i>Salmonella</i> .	PubMed
Santana, et al.	2021	Febre tifoide: revisão para a prática clínica.	Google

Silva, et al.	2018	<i>Salmonella</i> spp. Um Agente Patogênico Veiculado em Alimentos.	Google
Subramaniam & Kim.	2015	Clays as dietary supplements for swine: A review.	PubMed
Suiryanrayna, & Ramana.	2015	A review of the effects of dietary organic acids fed to swine.	NCBI
Suo, et al.	2010	A multiplex real-time polymerase chain reaction for simultaneous detection of <i>Salmonella</i> sp., <i>Escherichia coli</i> O157 and <i>Listeria monocytogenes</i> in meat products.	PubMed
Turci, et al.	2013	Incidência de <i>Salmonella</i> sp. em carne de suíno comercializada no município de Umuarama - PR – Brasil.	Google
Wang, et al.	2010	Antibiotic resistance, integrons and <i>Salmonella</i> genomic island 1 among <i>Salmonella</i> Schwarzengrund in broiler chicken and pig.	NTU Scholars
Yáñez, et al.	2013	Broth microdilution protocol for minimum inhibitory concentration (MIC) determinations of the intracellular salmonid pathogen <i>Piscirickettsia salmonis</i> to florfenicol and oxytetracycline.	PubMed
Yang, et al.	2012	Mutations in gyrase and topoisomerase genes associated with fluoroquinolone resistance in <i>Salmonella</i> serovars from retail meats.	Google

Fonte: Autores (2022).

3. Resultados e Discussão

3.1 *Salmonella* spp.

O gênero *Salmonella* spp. pertence à família *Enterobacteriaceae* e é o agente causador da salmonelose, uma das doenças entéricas mais importantes em suínos. Ela divide-se em duas espécies: *Salmonella bongori* e *Salmonella enterica*, sendo esta última subdividida em seis subespécies (*enterica*, *salamae*, *arizonae*, *diarizonae*, *houtenae* e *indica*), possuindo mais de 2.600 sorovares. Ela possui como seu habitat natural o trato intestinal de humanos e de outros animais, apresentando a maioria dos patógenos humanos na subespécie *Salmonella enterica* grupo *enterica* (Forstinus, et al., 2015; Mendonça, 2016).

Sua classificação em sorotipos está relacionada à algumas características, como seus抗ígenos somáticos de parede de natureza lipopolissacarídea, os flagelares de natureza proteica e os capsulares relacionados à virulência (Faria, 2016).

Em relação à gama de hospedeiros, mais precisamente a respeito da *S. enterica*, pode ser dividida em três categorias gerais: sorovares de ampla gama de hospedeiros, sorovares restritos a hospedeiros e sorovares específicos de hospedeiros (Quadro 2). Cabe destacar o sorovar *Choleraesuis*, sorovar específico para suínos e geralmente responsável por ocasionar doença grave, invasiva e septicêmica para os animais (Kim & Isaacson, 2016; Kich, 2017).

Quadro 2. Exemplos de sorovares de *Salmonella enterica*, seus hospedeiros e doenças causadas.

Sorovar	Hospedeiro	Doença zoonótica/diarreia
Sorovares específicos ao hospedeiro		
Choleraesuis	Porco	Sim
Dublin	Gado	Sim
Sorovares restritos ao hospedeiro		
Typhi	Humano	Não
Paratyphi A	Humano	Não
Paratyphi C	Humano	Não
Sendai	Humano	Não
Abortusovis	Ovelha	Não
Gallinarum	Galinha	Não
Typhisuis	Porco	Não
Abortusequi	Cavalo	Não
Sorovares de ampla gama de hospedeiros – os 10 mais comuns^a		
Enteritidis	Animais de fazenda	Sim
Typhimurium	Animais de fazenda	Sim
Newport	Animais de fazenda	Sim
Javiana	Animais de fazenda	Sim
14,[5].12:i:-	Animais de fazenda	Sim
Montevideo	Animais de fazenda	Sim
Heidelberg	Animais de fazenda	Sim
Munchen	Animais de fazenda	Sim
Infantis	Animais de fazenda	Sim
Branderup	Animais de fazenda	Sim

^a<http://www.cdc.gov/ncecid/dfwed/pdfs/salmonella-annual-report-2011-508c.pdf>. Fonte: Adaptado de Kim & Isaacson (2016).

As bactérias deste gênero apresentam-se como gram-negativas, não formadoras de esporos, anaeróbias facultativas e não fermentam lactose (porém, muitas cepas podem adquirir essa característica por meio de transferência plasmidial). Suas características de margem de temperatura para multiplicação se encontram entre 5 a 46°C, sendo sua temperatura ótima de 37°C, enquanto o seu valor de pH encontra-se na faixa de 3,8 a 9,5, com valor ótimo entre 6,6 e 8,2 (Ryan, et al., 2017; Quadros, 2018; Silva, et al., 2018).

Assim como em outros bacilos gram-negativos, as salmonelas têm em sua parede celular um revestimento de camada complexa de lipopolissacarídeo, além de flagelos, fímbrias, e algumas proteínas da membrana externa que atuam na adesão e/ou invasão do epitélio do trato intestinal. Sendo que esta camada lipossacarídica exerce uma função de barreira hidrofóbica, atribuindo características relevantes de resistência à dessecação e ao congelamento, por exemplo, fazendo também, com que a entrada de substâncias nocivas, como sais biliares, enzimas digestivas e alguns antibióticos seja restringida. Além disso, facilita a evasão da bactéria no sistema imunológico do hospedeiro (Suo, et al., 2010; Mendonça, 2016).

3.1.1 Salmonelose em humanos

Em humanos, a *Salmonella* pode causar diferentes doenças dependendo do sorotipo em questão, sendo elas: salmonelose não tifoide e febre tifoide (Brasil, 2021).

A salmonelose não tifoide é uma doença que acomete os seres humanos através do consumo de alimentos, de origem animal ou não, ou água contaminadas pela bactéria, caracterizando uma toxinfecção. Além desta transmissão via alimentar, existe a possibilidade de ocorrência devido a erros de procedimento em abatedouros-frigoríficos, como contaminação cruzada pelo excesso de manipulação durante o beneficiamento da carne ou contato de carne processada com carne crua. A gravidade da enfermidade varia conforme fatores relacionados a resposta do hospedeiro ao patógeno. A maioria dos casos de salmonelose não tifoide, em humanos, ocasiona sintomas de vômito, dores abdominais, febre, cansaço, perda de apetite, sangue nas fezes e diarreia, que geralmente surgem entre seis e 72 horas após o contato com o agente, costumando perdurar entre dois a sete dias (Turci, et al., 2013; Brasil, 2021).

A febre tifoide, por sua vez, figura como relevante causa de morbidade e é altamente incidente em países em desenvolvimento estando comumente relacionada a viagens, apesar de ser evitável através da adoção de medidas preventivas como a introdução da vacina conjugada (Santana, et al., 2021). Ademais, em casos atípicos, pode ocorrer quadros de desidratação e, se não for realizado o tratamento inicial, o quadro pode se agravar podendo levar ao óbito. A doença ocorre de maneira mais agressiva em crianças, idosos e gestantes devido a imunossupressão, assim como em transplantados ou portadores de Aids/HIV (Turci, et al., 2013; Brasil, 2021).

Segundo o *Centers for Disease Control*, há uma estimativa de que a *S. enterica* é o agente causador de mais de 1,2 milhões de casos por ano das doenças transmitidas através dos alimentos nos Estados Unidos (CDC, 2019). E, conforme Kim e Isaacson (2016), os prejuízos econômicos neste mesmo país em razão da Salmonelose excedem, em média, 3,5 bilhões de dólares anualmente.

De acordo com Rodrigues et al. (2014), *Salmonella* ser. *typhimurium* é considerado um dos principais sorovares relacionados a casos de salmonelose tanto em animais quanto em seres humanos, destacando-se no Brasil, devido sua presença na suinocultura e alimentos para consumo humano.

3.1.2 Salmonelose em suínos

As infecções por *S. enterica* normalmente ocorrem por via fecal-oral. A transmissão bacteriana dentro do lote é de extrema complexidade, visto que existem diversas fontes de infecção e momentos em que as bactérias são eliminadas. Dentre as fontes, destacam-se: excreção de fezes contaminadas pelos animais, falha de protocolo ou ausência de limpeza e desinfecção, e vazio sanitário inadequado, vetores (roedores e moscas), ração e água contaminados, assim como biosseguridade negligenciada. O momento crítico da transmissão pelo animal ocorre no estado de portador assintomático, onde há a possibilidade de reativar a excreção de *Salmonella*, especialmente em momentos de estresse, como transporte e mistura de animais (Kich, et al., 2017).

Kich et al. (2017) afirmam que a salmonelose em suínos atinge animais entre cinco semanas e quatro meses de vida, nas fases de creche, crescimento e início da terminação, podendo ocorrer sinais clínicos relacionados à septicemia (sorovar *choleraesuis*) ou à diarreia/enterocolite (sorovar *typhimurium*). Quando ingerida, a *Salmonella choleraesuis* ultrapassa a barreira intestinal e alcança tecidos linfoides secundários originando uma septicemia. Já em relação ao sorovar *Typhimurium*, o mesmo circula por hospedeiros distintos e coloniza o sistema digestório levando a um agravamento entérico. Além desses, há outros sorovares capazes de causar danos na produção animal, embora os mesmos não originem quadros clínicos em suínos.

Os quadros que cursam com diarreia caracterizam-se pela ocorrência de sinais clínicos como febre, perda de apetite e refugagem, podendo levar o animal a óbito. Além disso, a diarreia presente neste quadro é caracterizada por ser efusiva, inflamatória e cursa de modo intermitente, no entanto, raramente há presença de sangue nas mesmas. Por outro lado, os quadros com cenários septicêmicos apresentam uma mortalidade súbita mesclados a estados febris e cianose nas extremidades. Nestes casos, também ocorre perda de apetite e refugagem acompanhadas por sinais de fraqueza, além de dificuldade de locomoção e tendência dos animais de se amontoarem (Kich, et al., 2017).

Para um correto diagnóstico, é necessário considerar a sintomatologia clínica e suas lesões características no momento da necropsia. Além do mais, para a confirmação do mesmo, pode ser realizado exames bacteriológicos, Reação em Cadeia da Polimerase (PCR), histopatologia e imunohistoquímica. Condizente à detecção do agente, realiza-se o isolamento microbiológico seguido de sorologia através da técnica de aglutinação ou, em programas intensivos de controle de *Salmonella*, como também pode ser realizado o monitoramento sorológico por teste imunoenzimático (ELISA) (Kich, et al., 2017).

O tratamento para salmonelose em suínos se dá basicamente através de antimicrobianos, e é a partir do correto diagnóstico que se obtém maior eficiência e precisão no tratamento. Visto que os isolados de *Salmonella* apresentam alta variabilidade em seus perfis frente aos princípios ativos, tanto de sensibilidade quanto de resistência, a realização de um antibiograma se torna imprescindível para que se tome a melhor decisão, a fim de se obter a melhor escolha do medicamento (Kich, et al., 2017).

3.2 Antibioticoterapia em suínos frente à *Salmonella* spp.

Como escolha do tratamento de infecções por *Salmonella*, a ampicilina, sulfametoxazol-trimetoprim e cloranfenicol foram utilizadas como princípios ativos durante anos. Desse modo, as taxas de resistência a esses agentes foram se tornando crescentes, e assim, reduziram significativamente sua eficácia. Como resposta, passou-se a administrar fluoroquinolonas e cefalosporinas de amplo espectro (Lima, et al., 2016). Atualmente, a seleção gradativa de *Salmonella* resistente a essas classes de antimicrobianos vem sendo um importante problema de saúde pública, de modo a impactar no tratamento e na prevenção de doenças infecciosas em humanos e animais (EFSA, 2012).

Em estudo realizado por Kich et al. (2017), os princípios ativos que apresentaram sensibilidade acima de 80%, frente aos 112 isolados de *Salmonella* oriundos de casos clínicos de suínos no Brasil foram: fosfomicina, lincomicina+espectinomicina e norfloxacina. Entre 70 e 80% de sensibilidade em ordem decrescente, foram: ceftiofur, colistina e sulfametoxazol+trimetoprim. E por fim, os princípios ativos que apresentaram maior resistência foram, em ordem decrescente: tetraciclina, doxiciclina, gentamicina, estreptomicina e florfenicol.

De acordo com Oliveira et al. (2020), após isolar amostras de *Salmonella* spp. de sistemas de armazenamento de dejetos suínos observou-se, também, uma alta resistência à tetraciclina, representando uma taxa de 59%. Tamanha resistência à tetraciclina é um resultado plausível, pois tal fármaco é um dos antimicrobianos mais antigos utilizados, tanto para o tratamento quanto para a promoção de crescimento (com uso em subdosagens). Todavia, no Brasil, as tetraciclinas foram banidas em 1998 como aditivos alimentares em rações de animais, estando liberadas apenas para a utilização de forma terapêutica (Lima, et al., 2016).

Os mecanismos de resistência à tetraciclina pela bactéria, ocorrem através do efluxo das moléculas de tetraciclina, de proteção ribossômica e da inativação da droga (Gozi, 2016). A resistência ocorre devido a proteínas denominadas *Tet* (*Tet A, B, C e D*) que, após formadas, encontram-se na membrana citoplasmática. Segundo Moreira (2016), existem mais de 35 diferentes genes que codificam resistência à tetraciclina, relacionados a bombas de efluxo associadas à membrana, capazes de exportar tetraciclina, oxitetraciclina e doxiciclina, enquanto *tetB*, além destes, é capaz de exportar também a minociclina. Ainda afirmam que os genes *tetA*, *tetB* têm sido encontrados em alta frequência em *Salmonella*.

Em relação à doxiciclina, pertencente à classe das tetraciclinas, em estudo realizado por Lima et al. (2016) foi observado 36% dos isolados de *Salmonella* spp. resistentes a este princípio ativo, que por sua vez tem como mecanismo de ação a inibição da síntese de proteínas bacterianas via porção 30S dos ribossomos. Sua propriedade lipossolúvel facilita a sua difusão através da membrana celular dos microrganismos susceptíveis, permitindo sua ligação à subunidade 30S do ribossomo, inibindo a formação do complexo t-RNA-aminoacil–RNAmribossomo e impedindo, consequentemente, a translação bacteriana (Lopes, 2019).

A alta taxa de resistência de gentamicina encontrada por Kich et al. (2017) vai de encontro com os achados no trabalho realizado por Machado et al. (2020), onde 69,56% dos isolados foram resistentes à gentamicina. Tais dados demonstram que a *Salmonella* e seus genes de resistência seguem amplamente presentes em populações animais e humanas.

Para a estreptomicina, a alta taxa de resistência também ocorreu em outros estudos. Segundo Machado et al. (2020), a taxa de resistência observada foi de 65,21% dos isolados. Corroborando a isso, em trabalho de Filho (2014), 70% das amostras coletadas foram resistentes para o princípio ativo supracitado.

Os aminoglicosídeos em questão (gentamicina e estreptomicina) possuem mecanismo de ação relacionado à alteração da função dos ribossomos bacterianos, pela ligação à fração 30S dos ribossomos, inibindo a síntese proteica ou produzindo proteínas 46 defeituosas. Já, no condizente aos mecanismos de resistência, são três as principais consequências: diminuição de permeabilidade celular à droga, alteração dos sítios de ligação no ribossomo (ambos mediados por mutação) e modificação enzimática do antibiótico (mediado por plasmídeos) (Moreira, 2016).

No condizente à utilização de cloranfenicol, sabe-se que o uso veterinário no país foi proibido em 2003 pelo Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento (MAPA) (Brasil, 2003), e desde então a utilização de florfenicol, seu análogo fluorado, tem sido amplamente presente na medicina veterinária. Deste modo, tal princípio ativo segue sendo responsável por ocasionar alta pressão de resistência frente a essa classe de antibióticos. Em conformidade, Quadros (2018) identificou a presença de *Salmonella* spp. em diferentes pontos de um abatedouro-frigorífico de suínos, e foi observada uma frequência de 36% de resistência ao cloranfenicol frente aos isolados.

Este princípio ativo tem como mecanismo de ação a inibição da síntese proteica da bactéria (ação bacteriostática), de modo que a droga se fixa na fração 50S do ribossomo inibindo a ação da enzima peptidiltransferase (Yáñez, et al., 2014; Lysnyansky & Ayling, 2016). Sua resistência é mediada principalmente por genes localizados em plasmídeos que codificam a produção de enzimas, denominadas cloranfenicol-acetiltransferases, que inativam o composto (Moreira, 2016).

3.3 Mecanismos de resistência a antibióticos

As intervenções ocasionadas pelo uso dos antibióticos podem ocorrer no nível da parede celular, membrana citoplasmática, ribossomos, DNA e metabolismo intermediário das células bacterianas. Atrelado a isso, existem mecanismos de resistência por parte das bactérias, os quais podem ocorrer basicamente por dois processos: mutação ou aquisição de elementos genéticos (Gozi, 2016).

A mutação espontânea e seleção ocorre quando bactérias que transportam mutação no material genético sobrevivem ao uso da droga caso confirmem resistência, enquanto as sensíveis são eliminadas. Assim, as células resistentes transferem essa característica as células-filhas, caracterizando a evolução ou transmissão vertical. Tal processo pode ocorrer por diversos mecanismos, como: destruição ou inativação enzimática da droga, bloqueio da entrada no sítio-alvo, alteração no sítio-alvo, efluxo e ejeção do antibiótico (Moreira, 2012).

No tocante ao gênero *Salmonella*, cabe destacar as mutações pontuais no QRDR (Região Determinante de Resistência a Quinolona), que implicam em grandes questões na saúde pública (Wang, et al., 2010). As fluoroquinolonas e quinolonas possuem como alvo a DNA girase e topoisomerase IV que, por sua vez, são codificadas de forma respectiva pelos genes *gyrA*, *gyrB*, *parC* e *parE*. Dessa forma, dados da literatura demonstraram que as mutações nos genes *gyrA*, *parC* e *parE* originaram altos níveis de resistência quanto ao uso de fluoroquinolonas em diferentes sorovares de *Salmonella* isolados de carnes de bovinos, aves e cordeiros em comercialização na China (Yang, et al., 2012).

O segundo mecanismo ocorre através da resistência mediada por aquisição de elementos genéticos, que pode ocorrer por integrons, plasmídeos e transposons. A variabilidade genética em *Salmonella* spp. é responsável pela alteração fisiológica das células e genes de resistência a antimicrobianos, conferindo proteção ao patógeno em questão. Esse mecanismo tem seu

funcionamento através de codificação de estruturas como os lipopolissacarídeos, flagelos e fímbrias, bem como a expressão de genes de virulência (Gozi, 2016). Desse modo, a transferência gênica ocorre horizontalmente através dos processos de transformação, conjugação ou transdução, onde as bactérias podem adquirir e incorporar aos seus materiais genéticos genes de resistência carreados por elementos móveis de transferência como é o caso dos plasmídeos, transposons e/ou bacteriófagos (vírus especializados em infectar células bacterianas) (Moreira, 2012). Segundo Gozi (2016), as bactérias ainda podem permutar simultaneamente genes de resistência a diversos antibióticos, estabelecendo o fenômeno da multirresistência.

3.4 Alternativas frente à utilização de antibióticos

Nos últimos anos, pesquisas têm enfatizado o conhecimento e desenvolvimento de alternativas à antibióticos a fim de garantir avanços na suinocultura (Subramaniam & Kim, 2015; Omonijo, et al., 2018). Desse modo, espera-se que tais alternativas de antibióticos possam surgir efeito em diversos aspectos, como: aumento da resposta imunológica dos suínos, redução da carga de patógenos na microbiota intestinal, estimulação do estabelecimento de micróbios intestinais benéficos e na estimulação da função digestiva de suínos (De Lange, et al., 2010). Com base em estudo realizado por Cheng et al. (2019), as alternativas mais promissoras são os óleos essenciais, as enzimas, os ácidos orgânicos, os prebióticos e os probióticos. No Quadro 3, estão descritas as características e principais funções dessas alternativas de antibióticos.

Quadro 3. Características e principais funções das alternativas à utilização de antibióticos^a.

Alternativas promissoras	Características	Principais funções
Óleos essenciais	Os óleos essenciais têm propriedades antimicrobianas, anti-inflamatórias, antioxidantes e coccidiostáticas	1) Melhorar a digestibilidade e a imunidade; 2) Promoção da saúde intestinal, minimizando o efeito das bactérias patogênicas; e 3) Controle da inflamação, estresse oxidativo, microbiota, quimiossensibilidade intestinal e detecção de <i>quorum sensing</i> (QS), para gerar melhor desempenho de produção de odor animal e emissão de amônia.
Ácidos orgânicos e inorgânicos	Os ácidos orgânicos e inorgânicos podem ser bacteriostáticos e bactericidas e essas ações dependem dos níveis de sua inclusão	1) Diminuindo o pH da digesta no estômago em particular e auxiliando na digestão de proteínas; 2) Reduzir a competição microbiana com o porco por nutrientes; 3) Estimular a produção e atividade de enzimas (pancreáticas) no intestino delgado; 4) Fornecimento de nutrientes preferidos pelo tecido intestinal para melhorar a integridade e função da mucosa; e 5) estimulação da secreção de enzimas pancreáticas.
Enzimas	As enzimas podem quebrar proteínas, gorduras e carboidratos por meio de proteases, lipases e várias carboidrases, fazendo com que sejam mais bem digeridos e absorvidos como fontes de energia	1) Melhorar a utilização de nutrientes, saúde intestinal, saúde gastrointestinal e perfil metabólico; 2) Minimizando a proliferação de bactérias patogênicas; e 3) Alterar a ecologia das bactérias gastrointestinais dos suínos.
Probióticos	Os probióticos são projetados para estimular certas cepas benignas ou espécies de bactérias no intestino em detrimento de outras menos desejáveis	1) Estimular o desenvolvimento de uma microbiota saudável com predominância de bactérias benéficas; 2) Prevenir a colonização de patógenos entéricos; 3) Aumentar a capacidade digestiva e diminuir o pH; 4) Melhorar a imunidade da mucosa; e 5) Melhorar a maturação e integridade do tecido intestinal
Prebióticos	Os prebióticos são ingredientes alimentares não digeríveis que alteram a composição ou o metabolismo da microbiota intestinal de forma benéfica. Eles são mais baratos, menos arriscados e mais fáceis de serem manuseados e incorporados às dietas do que os probióticos	1) Reduzir a carga de bactérias no intestino do porco; 2) Reduzir a inflamação quando suplementado com dietas para suínos; 3) Melhorar a resistência à colonização bacteriana; e 4) Aumentar a função de barreira intestinal contra patógenos invasores.

^a(De Lange, et al., 2010; Oliver & Wells, 2015; Subramaniam & Kim, 2015; Suiryanrayna & Ramana, 2015; Dowarah, et al., 2017; Liao & Nyachoti, 2017; Omonijo, et al., 2018). Fonte: adaptado de Cheng et al. (2019).

Segundo os estudos, todas as alternativas têm potencial para melhorar o desempenho dos suínos. Porém, ainda são necessários mais estudos a fim de adquirir maiores conhecimentos a respeito desse assunto, seja nos modos de ação dessas

alternativas, sinergia entre eles, dos seus efeitos sobre o crescimento dos animais e até mesmo do impacto financeiro de seu(s) uso.

4. Considerações Finais

Sabe-se que o aumento perante a resistência antimicrobiana está relacionado ao uso indiscriminado de antibióticos nos mais diversos setores das competências de medicina humana e veterinária. E assim, gerando enorme impacto na saúde humana e na economia ao redor do mundo.

É necessário a garantia de vigilância adequada com relação ao avanço da resistência antimicrobiana deste grupo bacteriano. Para isso, todos os setores públicos e privados, governamentais e não governamentais, devem implementar estratégias de controle, além de aprimorar as já existentes. A utilização responsável de antimicrobianos e a busca por agentes resistentes em condições alternativas, baseando-se na compreensão dos mecanismos de resistência destes microrganismos, constituem medidas eficazes para o controle e prevenção destes.

Ainda, deve-se ressaltar a importância da atuação do médico veterinário em termos de sua responsabilidade perante toda cadeia de produção de alimentos de origem animal. Tendo como principal objetivo controlar os perigos químicos e biológicos, fornecendo um produto de qualidade e inocuidade dentro dos padrões exigidos por lei.

Sendo assim, pesquisas constantes a respeito de potenciais alternativas aos antibióticos na suinocultura devem ser enfatizadas.

Referências

- Brasil. (2003). Ministério da Agricultura Pecuária e Abastecimento. Instrução normativa n.º 9 de 27 de junho de 2003. Proíbe a fabricação, a manipulação, o fracionamento, a comercialização, a importação e o uso dos princípios ativos cloranfenicol e nitrofurano e os produtos que contenham estes princípios ativos, para uso veterinário e suscetível de emprego na alimentação de todos os animais e insetos. *Diário Oficial da União*, Brasília, DF, Seção 1, p. 5.
- Brasil. (2021). Ministério da Saúde. Governo Federal. *Salmonella (Salmonelose): o que é, causas, tratamento e prevenção*. <https://www.gov.br/saude/pt-br/assuntos/saude-de-a-a-z/s/salmonella-salmonelose>
- CDC - Centers for Disease Control and Prevention. (2019). *Antibiotic Resistance Threats in the United States*, 2019. Atlanta, USA.
- Cheng, D., Ngo, H. H., Guo, W., Chang, S. W., Nguyen, D. D., Liu, Y., Wei, Q., Wei, D. (2019). A critical review on antibiotics and hormones in swine wastewater: Water pollution problems and control approaches. *Journal of Hazardous Materials*, 387, 121682. <https://doi.org/10.1016/j.jhazmat.2019.121682>
- De Lange, C., Pluske, J., Gong, J. & Nyachoti, C. (2010). Strategic use of feed ingredients and feed additives to stimulate gut health and development in young pigs. *Livestock Science*. 134 (1–3), 124–134.
- Dowarah, R., Verma, A. K., & Agarwal, N. (2017). The use of Lactobacillus as an alternative of antibiotic growth promoters in pigs: A review. *Animal Nutrition*, 3(1), 1–6.
- EFSA. (2012). Union summary report on antimicrobial resistance in zoonotic and indicator bacteria from humans, animals and food in 2010. *EFSA Journal*, 10, 2598.
- Faria, A. M. (2013). Principais sorotipos de *Salmonella* enterica isolados em suínos.
- Faria, A. M. (2016). *Escherichia coli e Salmonella sp. Em suíiformes nativos exóticos assintomáticos em criações comerciais do estado de goiás*. Tese de doutorado, Universidade Federal de Goiás, Goiânia, GO, Brasil.
- Filho, V. J. R. G., Teixeira, R. S., Lopes, E. S., Albuquerque, Á. H., Lima, S. V. G., Horn, R., Rocha-e-Silva, R. C. & Cardoso, W. M. (2014) Investigation of *Salmonella* spp. in backyard chickens (*Gallus gallus domesticus*) and eggs sold in free markets in the city of Fortaleza, Ceará. *Semina: Ciências Agrárias*, Londrina, 35 (4), 1855-1864.
- Forstinus, N. O., Dickson, D. I. & Chinyere, A. Q. (2015). Epidemiology of *Salmonella* and Salmonellosis. *International Letters of Natural Sciences*. 47, 54–73.
- Gozi, K. S. (2016). *Perfil de resistência à antimicrobianos de Aeromonas sp. e Streptococcus sp. isolados de tilápia-do-Nilo e detecção dos genes envolvidos na resistência à tetraciclina*. Dissertação de mestrado, Centro de Aquicultura, Universidade Estadual Paulista, Jaboticabal, São Paulo, SP, Brasil.
- Kich, J. D.; Meneguzzi, M., & Reichen, C. (2017). Salmonelose clínica em suínos no Brasil: diagnóstico e controle. In: *Anais do 10º Simpósio Internacional de Suinocultura* (p. 153-166).
- Kim, H. B., & Isaacson, R. E. (2017). *Salmonella* in Swine: Microbiota Interactions. *Annual Review of Animal Biosciences*, 5(1), 43–63.

- Liao, S. F., & Nyachoti, M. (2017). Using probiotics to improve swine gut health and nutrient utilization. *Animal Nutrition*, 3(4), 331–343.
- Lima, A. L., Rodrigues, D. P., Araújo, M. S., Reis, E. M. F., Festivo, M. L., Rodrigues, E. C. P. & Lázaro, N. S. (2016). Sorovares e perfil de suscetibilidade a antimicrobianos em *Salmonella* spp. isoladas de produtos de origem suína. *Arquivo Brasileiro de Medicina Veterinária e Zootecnia*, 68 (1), 39-47.
- Lopes, B. S. B. (2019). *Efeito osteogênico do compósito produzido com cerâmica de beta tricálcio fosfato, polímeros [pcl e plga] e β-ciclodextrina, associado à doxiciclina, no modelo de reparo ósseo alveolar em ratos*. 124f. Dissertação de mestrado, Universidade Federal de Minas Gerais, MG, Brasil.
- Lysnyansky, I., & Ayling, R. D. (2016). *Mycoplasma bovis: Mechanisms of Resistance and Trends in Antimicrobial Susceptibility*. *Frontiers in Microbiology*, 7.
- Mendonça, E. P. (2016). *Características de virulência, resistência e diversidade genética de sorovares de Salmonella com impacto na saúde pública, isolados de frangos de corte no Brasil*. Tese de doutorado. Universidade Federal de Uberlândia, Programa de Pós-Graduação em Ciências Veterinárias.
- Moreira, N. M. (2012). *Estudo sobre Salmonella sp. e seus mecanismos de resistência a antibióticos*. Mestrado. Programa de Pós-Graduação em Ciência Animal da Escola de Veterinária e Zootecnia da Universidade Federal de Goiás.
- Oliveira, A. D., Mansson, M. A. M., Vieira, T. R. & Oliveira, V. S. (2020). Sobrevivência e perfil de resistência a antimicrobianos de isolados de *Salmonella* spp. em dejetos suíno armazenado. *PUBVET*, 14 (9), 1-7.
- Oliver, W. T., & Wells, J. E. (2015). Lysozyme as an alternative to growth promoting antibiotics in swine production. *Journal of Animal Science and Biotechnology*, 6(1), 35.
- Omonijo, F. A., Ni, L., Gong, J., Wang, Q., Lahaye, L., & Yang, C. (2018). Essential oils as alternatives to antibiotics in swine production. *Animal Nutrition*, 4(2), 126–136.
- Quadros, C. L. (2018). *Salmonella spp. isoladas em abatedouro frigorífico de suínos: resistência a sanitizantes e antimicrobianos*. Dissertação de mestrado, Universidade de Passo Fundo, RS, Brasil.
- Rodrigues, D. P., Reis, E. M. F. & Costa, R. G. (2014). *Relatório anual de atividades do Laboratório de Referência Nacional de Enteroinfecções Bacterianas*. CGLAB/DEVEP/SVS.
- Ryan, M. P., O'Dwyer, J., & Adley, C. C. (2017). Evaluation of the Complex Nomenclature of the Clinically and Veterinary Significant Pathogen *Salmonella*. *BioMed Research International*, 2017, 1–6.
- Santana, L. A., Pereira, S. O., Antônio, V. E., Castro, A. S. B., Miguel, P. S. B., & Moreira, T. R. (2021). Febre tifoide: revisão para a prática clínica. *Revista Científica UNIFAGOC-Saúde*, 6(1), 73-83.
- Silva, A. J. H., Anjos, C. P., Nogueira, L. S., Ribeiro, A. C. R., Fraga, E. G. S. (2018). *Salmonella* spp. Um Agente Patogênico Veiculado em Alimentos. *Encontro de Extensão, Docência e Iniciação Científica (EEDIC)*. 5 (1), 1-7.
- Subramaniam, M. D., & Kim, I. H. (2015). Clays as dietary supplements for swine: A review. *Journal of Animal Science and Biotechnology*, 6(1).
- Suiryanrayna, M. V. A. N., & Ramana, J. V. (2015). A review of the effects of dietary organic acids fed to swine. *Journal of Animal Science and Biotechnology*, 6(1), 45.
- Suo, B., He, Y. & Shi, X. (2010). A multiplex real-time polymerase chain reaction for simultaneous detection of *Salmonella* sp., *Escherichia coli* O157 and *Listeria monocytogenes* in meat products. *Foodborne Pathogen Dis.*, v. 7, n. 6, p. 619-628.
- Tang, K. L., Caffrey, N. P., Nóbrega, D. B., Cork, S. C., Ronksley, P. E., Barkema, H. W., & Ghali, W. A. (2017). Restricting the use of antibiotics in food-producing animals and its associations with antibiotic resistance in food-producing animals and human beings: A systematic review and meta-analysis. *The Lancet Planetary Health*, 1(8), 316–327.
- Turci, C. R., Begotti, B. L. I. & Merlini, S. L. (2013). Incidência de *Salmonella* sp. em carne de suíno comercializada no município de Umuarama - PR – Brasil. *Encyclopédia Biosfera*, 9 (16), 2748-2753.
- Wang, Y. C., Chang, Y. C., Chuang, H. L., Chiu, C. C., Yeh, K. S., Chang, C. C., Hsuan, S. L. & Chen, T. H. (2010). Antibiotic resistance, integrons and *Salmonella* genomic island 1 among *Salmonella* Schwarzengrund in broiler chicken and pig. *African Journal of Microbiology Research*, 4 (9), 677-681.
- World Health Organization (WHO). (2016). *Global action plan on antimicrobial resistance*. Geneva, Switzerland. 45p.
- Yáñez, A. J., Valenzuela, K., Matzner, C., Olavarria, V., Figueroa, J., Avendaño-Herrera, R., & Carcamo, J. G. (2013). Broth microdilution protocol for minimum inhibitory concentration (MIC) determinations of the intracellular salmonid pathogen *Piscirickettsia salmonis* to florfenicol and oxytetracycline. *Journal of Fish Diseases*, 37(5), 505–509.
- Yang, B., Xi, M., Cui, S., Zhang, X., Shen, J., Sheng, M., Qu, D., Wang, X. & Meng, J. (2012). Mutations in gyrase and topoisomerase genes associated with fluoroquinolone resistance in *Salmonella* serovars from retail meats. *Food Research International*, 45, 935–939.